Dear All

Prof. Ehud Shapiro, at the Dept. of Computer Science and Applied Mathematics is looking to hire a motivated and talented student for bioinformatics analysis, for hourly work of at least 24 hours a week.

The group conducts research on the reconstruction of cell lineage trees using advanced methods for single cell sequencing.

The candidate should be an M.Sc student or towards the end of his B.Sc degree in Bioinformatics or Computational Biology.

Experience in the analysis of Next-Generation Sequencing data and in bioinformatics scripting and programming languages (e.g. Matlab, R, python) under the Unix environment is necessary.

People, who are interested in such position, please contact Adam.

Adam Spiro

[Adam.Spiro@weizmann.ac.il](mailto:Adam.Spiro@weizmann.ac.il)

לקבוצת המחקר של פרופ' אהוד שפירא מהמחלקה למתמטיקה ומדעי המחשב במכון ויצמן דרוש/ה סטודנט/ית בעל/ת מוטיבציה לצורך ניתוח ביואינפורמטי, לעבודה לפי שעות בהיקף שיוסכם (לפחות 24 שעות בשבוע).

המעבדה עוסקת בניתוח ושיחזור שושלות תאים בשיטות מתקדמות שכוללות ריצוף DNA של תאים בודדים.

עדיפות לסטודנטים מתואר שני או לקראת סיום התואר הראשון בתחומים הקשורים לביואינפורמטיקה וביולוגיה חישובית.

נדרש נסיון בניתוח ביואינפורמטי של רצפי DNA וידע בשפות סקריפטים ותכנות רלוונטיים (כגון Matlab, R, Python) בסביבת UNIX.

המעוניינים מוזמנים לפנות לאדם:

[Adam.Spiro@weizmann.ac.il](mailto:Adam.Spiro@weizmann.ac.il)